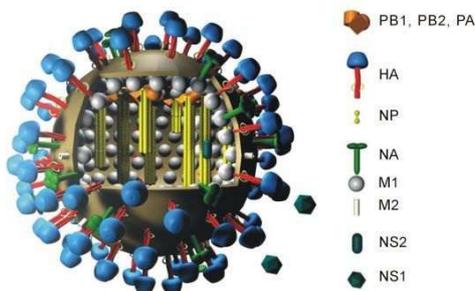
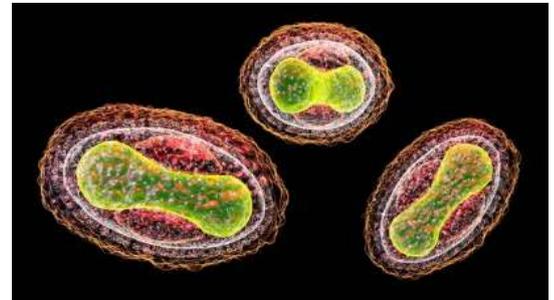


Virus humains anciens, récents et zoonotiques : une histoire sans fin ?

Depuis plusieurs années, avec quelques collègues de l'Université Grenoble-Alpes, nous avons changé notre manière d'enseigner la nature et l'évolution des virus humains, sans se baser sur la liste systématique de toutes les familles de virus.

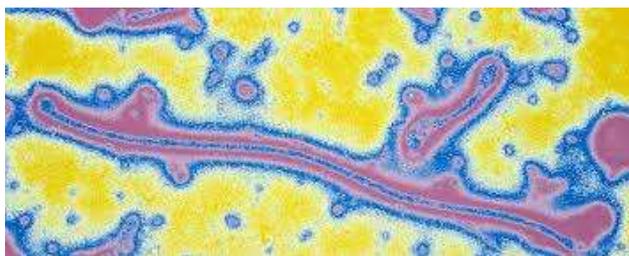
Le choix a été fait d'une approche « historique » des virus chez l'Homme, permettant de définir trois grandes catégories de virus selon...

qu'ils aient co-évolué avec l'Homme pendant très longtemps (virus humains anciens, exemple *Molluscum Contagiosum*),



ou qu'ils l'aient infecté plus récemment au Néolithique ou plus tard (virus humains récents, exemple Grippe)

ou enfin qu'ils évoluent à partir de virus animaux transmis à l'Homme de manière sporadique (virus zoonotiques, exemples Ebola et Dengue (arbovirus)).



Nous exposerons dans cette présentation les principes de cette distinction pédagogique alternative qui n'a pas la prétention de remplacer les classifications taxonomiques classiques basées sur les similarités morphologiques et de séquences (classification ICTV) ou sur la forme et le mode de réplication du génome viral (classification de Baltimore). Elle permet de faciliter le regroupement de virus ayant des effets similaires même si leur divergence évolutive est importante.

Nous montrerons ainsi l'origine des virus humains et comment ils peuvent entraîner des maladies humaines. Nous développerons plusieurs exemples de chacune de ces trois catégories de virus qui peuvent toutes avoir des implications en santé humaine.



Cette conférence sera donnée par
Monsieur Nicolas TARBOURIECH.

Docteur et Maître de Conférence à la Faculté de Pharmacie de Grenoble depuis 20 ans où il enseigne toutes les interfaces de la biologie : biophysique, bio-informatique, biochimie, microbiologie et virologie, il mène également des travaux de recherche à l'Institut de Biologie Structurale (IBS) dans l'équipe Poxvirus du groupe Machinerie de Réplication Virale.

Laissons-le-nous en dire plus :

« Je travaille depuis 15 ans sur les Poxvirus (virus de la Variole et apparentés).

J'ai aussi travaillé sur les virus Herpes, le virus de l'hépatite B et sur certains virus à ARN négatifs (familles des virus de la rage, Nipah, Hendra, VRS, Bornavirus, ...).

Mes compétences s'étendent du clonage des gènes et la production de protéine recombinante à l'analyse structurale par cristallographie aux rayons X et microscopie électronique sur particule isolée. »



Equipe Machinerie de Réplication Virale de l'IBS

